

Diciembre 19, 2006

Apreciado Colega:

Este mes nos complace anunciar múltiples pruebas nuevas. En oncología, tenemos disponibles nuevas pruebas moleculares DetectR™. La prueba **MSI DetectR™** (Inestabilidad Microsatelital) se ha hallado presente en 90% de pacientes de cáncer de colon, surgiendo en pacientes con cáncer colorectal no poliposo hereditario (HNPCC) y en 10-15% de casos de carcinoma colorectal esporádico. El estatus MSI de un tumor predice la evolución clínica y la respuesta a terapias con adyuvantes. Las pruebas **Células-B Reordenamiento Génico DetectR™** y **Células-T Reordenamiento Génico DetectR™** están disponibles como ayuda para diagnóstico, gradación y monitorización post-tratamiento de diversos neoplasmas de células B y T. Estas pruebas son particularmente útiles para diferenciar linfomas de proliferaciones linfoides reactivas en piel y ganglio linfático o para evaluar el estado de desarrollo de la enfermedad (ej. Gradación de linfoma) en médula ósea o sangre. También están disponibles diversas nuevas pruebas FISH:

Oncología

- FISH - RB1 13q14
- FISH - 20q12 D20S108
- FISH - p53 17p13.1
- FISH - IGH 14q32
- FISH - MALT1 18q21

Alteraciones Prenatal / Congénitas

- FISH - TRISOMÍA 13, 18, 21, X & Y
PRENATAL (AneuVysion™)
- FISH - TRISOMÍA 21
- FISH – ANOMALIAS DE SUBTELOMERO
(Totalvysion™)

Temperatura de Envío: Cuando envíe muestras ponga especial atención a la temperatura de envío recomendada en la sección de condiciones de envío de la muestra. En *Specialty* recibimos muestras de pacientes congeladas que no requieren ese tratamiento. Cuando sea aceptable, envíe muestras a temperatura ambiente o refrigeradas puesto que así se agiliza el análisis. Para optimizar la manipulación de las muestras, sugerimos que revise las instrucciones en Condiciones de la Muestra disponibles en nuestro portal: www.specialtylabs.com.

Citogenética: Tenga en cuenta el cambio en todos los análisis cromosómicos. Si no se observa actividad mitótica en la pruebas procesadas, se causa un cargo de \$150.00 por concepto de cultivo celular “sin crecimiento” y no se cobrará el análisis solicitado. Si requiere mayor información acerca de la condición “sin crecimiento”, comuníquese con Servicio al Cliente al 1-800-421-4449.

DPMD: El portal de DatapassportMD® (DPMD) fue remodelado en Diciembre 3 de 2006 para habilitar el ingreso de códigos ICD-9 hasta de seis caracteres y para efectuar validación del código ingresado. Esta mejora se ha diseñado para reducir errores de facturación y el consecuente tiempo de soporte al cliente. Antes, DPMD sólo admitía códigos ICD-9 de cuatro caracteres y no se efectuaba validación del dato ingresado. Además, la mejoría incluye ajustes al sistema de codificación para aumentar el desempeño de la aplicación, así como algunos cambios cosméticos en la apariencia del portal.

Para información adicional diríjase a nuestro portal en www.specialtylabs.com o a Servicio al Cliente al 800-421-4449.



Michael C. Dugan, M.D.
Vicepresidente y Director del Laboratorio

5044BK Células B Reordenamiento Génico DetectR™ – Bloque de Parafina (Disponible 01/03/07)

Componente	Método	Vr. de Ref. / Unidades
Células B Reordenamiento Génico PCR DetectR™	PCR	Ver informe

Muestra / Estabilidad	Tejido inmerso en parafina: 2 secciones de 50 micrones de grosor T. Ambiente indefinido
Utilidad Clínica	La prueba PCR reordenamiento del gene inmunoglobulina cadena pesada (IgH) puede detectar poblaciones clonales de células linfoides en poblaciones celulares mixtas en muestras de de tejido o líquido corporal. Por lo tanto, esta prueba es útil para el diagnóstico o confirmación de neoplasmas linfoides en células de linaje B, selección de tratamiento para esta enfermedad, detección de enfermedad residual subclínica y monitoreo de recurrencia de la enfermedad.
Días de Procesamiento	Lunes y Jueves
Tiempo de Informe	4 días
Código CPT	83891, 83898x3, 83909x3, 83912, 83907
Nota	No se ofrece a pacientes de NY hasta nuevo aviso.

5044 Células B Reordenamiento Génico DetectR™ (Disponible 01/03/07)

Componente	Método	Vr. de Ref. / Unidades
Células B Reordenamiento Génico PCR DetectR™	PCR	Ver informe

Muestra / Estabilidad	Sangre Entera EDTA: 5.0 (3.0) mL, T. Ambiente 1 semana, Refrigerada 1 semana
Muestra(s) Alterna(s)	Médula Ósea: 1.5 (0.5) mL, T. Ambiente 1 semana, Refrigerada 1 semana Tejido Fresco: 5.0 (3.0) mg, Congelado 1 año Pélet de Células, T. Ambiente 72 horas Sangre Entera Heparinizada: 5.0 (3.0) mL, T. Ambiente 1 semana, Refrigerada 1 semana Sangre Entera ACD: 5.0 (3.0) mL, T. Ambiente 1 semana, Refrigerada 1 semana
Utilidad Clínica	La prueba PCR reordenamiento del gene inmunoglobulina cadena pesada (IgH) puede detectar poblaciones clonales de células linfoides en poblaciones celulares mixtas en muestras de de tejido y líquido corporal. Por lo tanto, esta prueba es útil para el diagnóstico o confirmación de neoplasmas linfoides en células de linaje B, selección de tratamiento para esta enfermedad, detección de enfermedad residual subclínica y monitoreo de recurrencia de la enfermedad.
Días de Procesamiento	Lunes y Jueves
Tiempo de Informe	4 días
Código CPT	83891, 83898x3, 83909x3, 83912,
Nota	No se ofrece a pacientes de NY hasta nuevo aviso.

5040BK Células B y T Reordenamiento Génico DetectR™- Bloque de Parafina (Disponible 01/03/07)

Componente	Método	Vr. de Ref. / Unidades
Células B y T Reordenamiento Génico DetectR™	PCR	Ver informe

Muestra / Estabilidad	4 secciones de 50 micrones de grosor, tejido inmerso en parafina, T. Ambiente indefinido
Utilidad Clínica	Esta prueba sirve para el diagnóstico o confirmación de neoplasmas linfoides en células de linaje B y T, selección de tratamiento para esta enfermedad, detección de enfermedad residual subclínica y monitoreo de recurrencia de la enfermedad.
Días de Procesamiento	Lunes y Jueves
Tiempo de Informe	5 días
Código CPT	83891, 83898x3, 83900, 83901x2, 83909x4, 83912, 83907
Nota	No se ofrece a pacientes de NY hasta nuevo aviso.

5040 Células B y T Reordenamiento Génico DetectR™ (Disponible 01/03/07)

Componente	Método	Vr. de Ref. / Unidades
Células B y T Reordenamiento Génico DetectR™	PCR	Ver informe

Muestra / Estabilidad	Sangre Entera EDTA: 5.0 (3.0) mL, T. Ambiente 1 semana, Refrigerado 1 semana
Muestra(s) Alterna(s)	Médula Ósea: 1.5 (0.5) mL, T. Ambiente 1 semana, Refrigerado 1 semana Tejido Fresco: 5.0 (3.0) mg, Congelado 1 año Pélet de Células, T. Ambiente 72 horas Sangre Entera Heparinizada: 5.0 (3.0) mL, T. Ambiente 1 semana, Refrigerado 1 semana Sangre Entera ACD: 5.0 (3.0) mL, T. Ambiente 1 semana, Refrigerado 1 semana
Utilidad Clínica	Esta prueba sirve para el diagnóstico o confirmación de neoplasmas linfoides en células de linaje B y T, selección de tratamiento para esta enfermedad, detección de enfermedad residual subclínica y monitoreo de recurrencia de la enfermedad.
Días de Procesamiento	Lunes y Jueves
Tiempo de Informe	5 días
Código CPT	83891, 83898x3, 83900, 83901x2, 83909x4, 83912,
Nota	No se ofrece a pacientes de NY hasta nuevo aviso.

5042BK Células T Reordenamiento Génico DetectR™ - Bloque de Parafina (Disponible 01/03/07)

Componente	Método	Vr. de Ref. / Unidades
Células T Reordenamiento Génico PCR DetectR™	PCR	Ver informe

Muestra / Estabilidad	Secciones de 50 micrones de grosor: 4, tejido inmerso en parafina, T. Ambiente indefinido
Utilidad Clínica	Esta prueba PCR para detectar reordenamiento en el gene células T receptor gamma (TCR) puede detectar poblaciones clonales de células linfoides en poblaciones celulares mixtas en muestras de de tejido y líquido corporal. Por lo tanto, esta prueba es útil para el diagnóstico o confirmación de neoplasmas linfoides en células de linaje T, selección de tratamiento para esta enfermedad, detección de enfermedad residual subclínica y monitoreo de recurrencia de la enfermedad.
Días de Procesamiento	Lunes y Jueves
Tiempo de Informe	4 días
Código CPT	83891, 83898, 83900, 83901x2, 83909x2, 83912, 83907
Nota	No se ofrece a pacientes de NY hasta nuevo aviso.

5042 Células T Reordenamiento Génico DetectR™ (Disponible 01/03/07)

Componente	Método	Vr. de Ref. / Unidades
Células T Reordenamiento Génico DetectR™	PCR	Ver informe

Muestra / Estabilidad	Sangre Entera EDTA: 5.0 (3.0) mL T. Ambiente 1 semana, Refrigerado 1 semana
Muestra(s) Alterna(s)	Médula Ósea: 1.5 (0.5) mL, T. Ambiente 1 semana, Refrigerado 1 semana Tejido Fresco: 5.0 (3.0) mg, Congelado 1 año Pélet de Células, T. Ambiente 72 horas Sangre Entera Heparinizada: 5.0 (3.0) mL, T. Ambiente 1 semana, Refrigerado 1 semana Sangre Entera ACD: 5.0 (3.0) mL, T. Ambiente 1 semana, Refrigerado 1 semana
Utilidad Clínica	Esta prueba PCR para detectar reordenamiento en el gene células T receptor gamma (TCR) puede detectar poblaciones clonales de células linfoides en poblaciones celulares mixtas en muestras de de tejido y líquido corporal. Por lo tanto, esta prueba es útil para el diagnóstico o confirmación de neoplasmas linfoides en células de linaje T, selección de tratamiento para esta enfermedad, detección de enfermedad residual subclínica y monitoreo de recurrencia de la enfermedad.
Días de Procesamiento	Lunes y Jueves
Tiempo de Informe	4 días
Código CPT	83891, 83898, 83900, 83901x2, 83909x2, 83912
Nota	No se ofrece a pacientes de NY hasta nuevo aviso.

5863 IGH 14q32 FISH (Disponible 01/03/07)

Componente	Método	Vr. de Ref. / Unidades
FISH - IGH 14q32	FISH	Ver informe

Muestra / Estabilidad	Médula Ósea: 3.0 (1.0) mL, T. Ambiente 72 horas
Muestra(s) Alterna(s)	Sangre Entera Heparinizada: 5.0 (3.0) mL
Utilidad Clínica	Las translocaciones en el locus 14q32 del gene inmunoglobulina cadena pesada (IGH) frecuentemente se han observado en pacientes con diversos desórdenes hematológicos asociación. Esta prueba permite detectar la ruptura comosómica en J o la conmutación de regiones del locus (IGH) asociadas con translocaciones del locus 14q32 implicando otros loci. Pueden ocurrir rupturas en los segmentos J dentro de los loci IGH, por ejemplo es común observarlo con t(14;18), o dentro de secuencias de conmutaciones localizadas dentro de segmentos génicos constantes. Estas translocaciones IGH resultan en la sobreexpresión de oncogenes debido a la yuxtaposición de potenciadores IGH con dichos oncogenes.
Días de Procesamiento	Domingo - Sábado
Tiempo de Informe	7 días
Código CPT	88291,88237,88271x2,88275

5869 20q12 D20S108 FISH (Disponible 01/03/07)

Componente	Método	Vr. de Ref. / Unidades
FISH - 20q12 D20S108	FISH	Ver informe

Muestra / Estabilidad	Médula Ósea Heparinizada: 3.0 (1.0) mL, T. Ambiente 72 horas
Muestra(s) Alterna(s)	Sangre Entera Heparinizada: 5.0 (3.0) mL
Utilidad Clínica	Para identificar omisiones en el brazo largo del cromosoma 20, anomalía relativamente común en neoplasias mieloides. Se cree que un gene supresor de tumor reside dentro de 20q12.
Días de Procesamiento	Domingo - Sábado
Tiempo de Informe	7 días
Código CPT	88237,88271,88275,88291

5861 p53 17p13.1 FISH (Disponible 01/03/07)

<u>Componente</u>	<u>Método</u>	<u>Vr. de Ref. / Unidades</u>
FISH - p53 17p13.1	FISH	Ver informe

Muestra / Estabilidad	Médula Ósea Heparinizada: 3.0 (1.0) mL, T. Ambiente 72 horas
Muestra(s) Alterna(s)	Sangre Entera Heparinizada: 5.0 (3.0) mL
Utilidad Clínica	Detección de omisión (no mutación) o amplificación del locus p53. En algunas malignidades, la mutación de l alelo p53 está acompañada por omisión del otro alelo, lo que resulta en ausencia de la forma silvestre de la proteína p53. La omisión monoalélica de p53 es común en múltiples desórdenes. En muchos tumores se ha identificado heterocigocis de p53.
Días de Procesamiento	Domingo - Sábado
Tiempo de Informe	7 días
Código CPT	88291,88237,88271,88275

5865 MALT1 18q21 FISH (Disponible Inmediatamente)

<u>Componente</u>	<u>Método</u>	<u>Vr. de Ref. / Unidades</u>
FISH - MALT1 18q21	FISH	Ver informe

Muestra / Estabilidad	Médula Ósea Heparinizada: 3.0 (1.0) mL, T. Ambiente 72 horas
Muestra(s) Alterna(s)	Sangre Entera Heparinizada: 5.0 (3.0) mL
Utilidad Clínica	Identificación de reordenamientos en la región génica MALT1 en el cromosoma 18q21 o aneuploidía del cromosoma 18. En diversos casos de linfoma se han observado reordenamientos cromosómicos implicando el gene en el cromosoma 18q21 MALT1 (MALT translocación 1 asociada a linfoma)
Días de Procesamiento	Domingo - Sábado
Tiempo de Informe	7 días
Código CPT	88237,88271x2,88275,88291

5867 RB1 13q14 FISH (Disponible 01/03/07)

<u>Componente</u>	<u>Método</u>	<u>Vr. de Ref. / Unidades</u>
FISH - RB1 13q14	FISH	Ver informe

Muestra / Estabilidad	Médula Ósea: 3.0 (1.0) mL Heparinizada, T. Ambiente 72 horas
Muestra(s) Alterna(s)	Sangre Entera Heparinizada: 5.0 (3.0) mL
Utilidad Clínica	Para identificar omisiones del locus RB1 en 13q14. Las omisiones del brazo largo del cromosoma 13 son comunes en casos de neoplasias mieloides. Un gene candidato a supresor de tumor reside en el telómero del gene RB1.
Días de Procesamiento	Domingo - Sábado
Tiempo de Informe	7 días
Código CPT	88237,88271,88275,88291

5843 SUBTELÓMERO, ANOMLÍAS (Totelvysion™) (Disponible Inmediatamente)

<u>Componente</u>	<u>Método</u>	<u>Vr. de Ref. / Unidades</u>
FISH - SUBTELÓMERO, ANOMLÍAS	FISH	Ver informe

Muestra / Estabilidad	Sangre Entera Heparinizada: 3.0 (1.0) mL
Utilidad Clínica	Para detección de omisiones o reordenamientos sutiles o que implican la región subtelomérica de todos los cromosomas humanos. Aproximadamente 5% de pacientes con retardo mental ideopático o desarrollo retardado presentan anomalías subteloméricas. Debido a las características de las técnicas de tinción y a límites de resolución, estas regiones son de difícil o imposible detección mediante análisis cromosómicos rutinarios.
Días de Procesamiento	Lunes-Sábado
Tiempo de Informe	5 días
Código CPT	88271x41, 88272X15, 88291
Nota	Practicar junto con análisis cromosómico en sangre #5814

5885 TRISOMÍA 13, 18, 21, X & Y (PRENATAL) FISH (AneuVysion™)(Disponible 01/03/07)

<u>Componente</u>	<u>Método</u>	<u>Vr. de Ref. / Unidades</u>
FISH - TRISOMÍA 13, 18, 21, X & Y (PRENATAL)	FISH	Ver informe

Muestra / Estabilidad	Líquido Amniótico: 5.0 (5.0) mL, T. Ambiente 72 horas
Utilidad Clínica	Detección rápida de trisomías 13, 18, 21, X e Y y aneurosomías en cromosoma sexual en amniocitos sin cultivar. El conjunto de condiciones citadas representan 2/3 de todas las anomalías identificadas por amniocentesis, y 85-90% de las anomalías cromosómicas detectadas en infantes. Esta prueba no pretende ser autosuficiente para la toma de decisiones clínicas. En consistencia con los estándares profesionales de práctica clínica, los resultados de esta prueba FISH deben usarse junto con otra información comúnmente empleada en diagnóstico prenatal. La prueba FISH no detectará anomalías estructurales de los cromosomas que pueden causar defectos de nacimiento.
Días de Procesamiento	Lunes-Sábado
Tiempo de Informe	24 hrs. si se recibe entre lunes y jueves, 48-72 hrs. si se recibe entre viernes y sábado.
Código CPT	88271x5, 88274, 88291
Nota	Practicar junto con análisis cromosómico en líquido amniótico, #5822

5887 TRISOMÍA 21 FISH (Disponible 01/03/07)

Componente	Método	Vr. de Ref. / Unidades
FISH - TRISOMÍA 21	FISH	Ver informe

Muestra / Estabilidad Sangre Entera Heparinizada: 5.0 (1.0) mL, T. Ambiente 72 horas
 Utilidad Clínica Identificación y enumeración del cromosoma 21.
 Días de Procesamiento Lunes-Sábado
 Tiempo de Informe Siguiendo día
 Código CPT 88271, 88275, 88291
 Nota Practicar junto con análisis cromosómico en sangre #5814

4192U Metadona, Confirmación en Orina (Disponible 01/03/07)

Componente	Método	Vr. de Ref. / Unidades
Metadona	LCM/MS	< 50 ng/mL
EDDP (d,1-2-etil-1,5-dimetil-3,3-difenilpirrolino)	LCMS/MS	< 50 ng/mL
EMDP (d,1-2-etil,5-metil-3,3-difenil-1-pirrolino)	LCMS/MS	< 50 ng/mL

Muestra / Estabilidad Orina: 4.0mL (2.0) , T. Ambiente 5 días, Refrigerado 2 semanas, Congelado 2 semanas
 Utilidad Clínica Confirmación de tamizajes positivos para Metadona. Este panel incluye los siguientes analitos: Metadona, EDDP (d,1-2-etil-1,5-dimetil-3,3-difenilpirrolino) y EMDP (d,1-2-etil,5-metil-3,3-difenil-1-pirrolino).
 Días de Procesamiento Miércoles
 Tiempo de Informe Siguiendo día
 Código CPT 83840x3

4192 Metadona, Confirmación en Suero (Disponible 01/03/07)

Componente	Método	Vr. de Ref. / Unidades
Metadona	LCMS/MS	< 50 ng/mL
EDDP (d,1-2-etil-1,5-dimetil-3,3-difenilpirrolino)	LCMS/MS	< 50 ng/mL

Muestra / Estabilidad Suero: 2.0mL (1.0 mL), T. Ambiente 2 semanas, Refrigerado 2 semanas, Congelado 2 semanas
 Muestra(s) Alterna(s) Plasma Heparinizado: 2.0mL (1.0 mL),, T. Ambiente 2 semanas, Refrigerado 2 semanas, Congelado 2 semanas
 Plasma EDTA: 2.0mL (1.0 mL), , T. Ambiente 2 semanas, Refrigerado 2 semanas, Congelado 2 semanas
 Utilidad Clínica Confirmación de tamizados positivos para Metadona. Este panel incluye los siguientes analitos: Metadona y EDDP (d,1-2-etil-1,5-dimetil-3,3-difenilpirrolino).
 Días de Procesamiento Miércoles
 Tiempo de Informe Siguiendo día
 Código CPT 83840x2

5046 MSI DetectR™ (Disponible 01/03/07)

Componente	Método	Vr. de Ref. / Unidades
MSI DetectR™	PCR	Ver informe

Tumor Muestra / Estabilidad Tejido Fresco: 5.0 (3.0) mg, Congelado 1 año
 Normal Muestra / Estabilidad Sangre Entera EDTA: 5.0 (3.0) mL T. Ambiente 1 semana, Refrigerada 1 semana
 Médula Ósea: 1.5 (0.5) mL, T. Ambiente 1 semana, Refrigerada 1 semana
 Tejido Fresco: 5.0 (3.0) mg, Congelado 1 año
 Sangre Entera Heparinizada: 5.0 (3.0) mL, T. Ambiente 1 semana, Refrigerada 1 semana
 Sangre Entera ACD: 5.0 (3.0) mL, T. Ambiente 1 semana, Refrigerada 1 semana
 Utilidad Clínica La Inestabilidad Microsatelital (MSI) es predicativa de evolución clínica y respuesta a tratamiento con adyuvantes en casos de carcinoma colorectal. El análisis MSI involucra la comparación de perfiles alélicos de 5 mononucleótidos marcadores generados por amplificación de DNA de células normales y tumorales. Los alelos presentes en la muestra tumoral que no se encuentran en las correspondiente muestra normal indican MSI.
 Días de Procesamiento Lunes
 Tiempo de Informe 5 días
 Código CPT 83891x2, 83900, 83901x12, 83909x2, 83912
 Nota Para efectuar el análisis deben recibirse las muestras normal y tumoral.
 No se ofrece a pacientes de NY hasta nuevo aviso.

5046BK MSI DetectR™ – Bloque de Parafina (Disponible 01/03/07)

Componente	Método	Vr. de Ref. / Unidades
MSI DetectR™	PCR	Ver informe
Tumor Muestra / Estabilidad	Secciones de 50 micrones de grosor 4.; tejido inmerso en parafina, T. Ambiente indefinido	
Normal Muestra / Estabilidad	Sangre Entera EDTA: 5.0 (3.0) mL T. Ambiente 1 semana, Refrigerada 1 semana Médula Ósea: 1.5 (0.5) mL T. Ambiente 1 semana, Refrigerada 1 semana Tejido Fresco: 5.0 (3.0) mg, Congelado 1 año Sangre Entera Heparinizada: 5.0 (3.0) mL, T. Ambiente 1 semana, Refrigerada 1 semana Sangre Entera ACD: 5.0 (3.0) mL, T. Ambiente 1 semana, Refrigerado 1 semana Tejido Congelado: 5.0 (3.0) mg, Congelado 1 año	
Utilidad Clínica	Secciones de 50 micrones de grosor.; tejido inmerso en parafina, T. Ambiente indefinido La Inestabilidad Microsatelital (MSI) es predicativa de evolución clínica y respuesta a tratamiento con adyuvantes en casos de carcinoma colorectal. El análisis MSI involucra la comparación de perfiles alélicos de 5 mononucleótidos marcadores generados por amplificación de DNA de células normales y tumorales. Los alelos presentes en la muestra tumoral que no se encuentran en las correspondiente muestra normal indican MSI.	
Días de Procesamiento	Lunes	
Tiempo de Informe	5 días	
Código CPT	83891x2, 83900, 83901x12, 83909x2, 83912, 83907	
Nota	Para efectuar el análisis deben recibirse las muestras normal y tumoral No se ofrece a pacientes de NY hasta nuevo aviso.	

4183 Fenciclidina (PCP) Confirmación en Suero (Disponible 01/03/07)

Componente	Método	Vr. de Ref. / Unidades
PCP	LCMS/MS	< 8 ng/mL
Muestra / Estabilidad	Suero: 2.0mL (1.0 mL), T. Ambiente 2 semanas, Refrigerado 2 semanas, Congelado 2 semanas	
Muestra(s) Alterna(s)	Plasma Heparinizado :2.0mL (1.0 mL), T. Ambiente 2 semanas, Refrigerado 2 semanas, Congelado 2 semanas Plasma EDTA: 2.0mL (1.0 mL), , T. Ambiente 2 semanas, Refrigerado 2 semanas, Congelado 2 semanas	
Utilidad Clínica	Confirmación de tamizajes positivos para Fenciclidina (PCP). La PCP se clasifica como un alucinógeno y causa muchos de los efectos producidos por el Ácido Lisérgico Dietilamida (LSD), pero puede ser mucho más peligroso. Actúa simultáneamente como alucinógeno, estimulante, depresivo y anestésico.	
Días de Procesamiento	Jueves	
Tiempo de Informe	Siguiente día	
Código CPT	83992	

4166 Antidepresivos Triciclicos (TCA) tamizaje en suero (Disponible 01/03/07)

Componente	Método	Vr. de Ref. / Unidades
Desipramina	HPLC	P. de corte 250 Detectado
Imipramina	HPLC	P. de corte 350 Detectado
Amitriptilina	HPLC	P. de corte 250 Detectado
Nortriptilina	HPLC	P. de corte 150 Detectado

Muestra / Estabilidad	Suero: 2.0mL (1.0 mL), T. Ambiente 2 días, Refrigerado 5 días, Congelado 2 meses
Muestra(s) Alterna(s)	Plasma ACD: 2.0mL (1.0 mL) , T. Ambiente 2 días, Refrigerado 5 días, Congelado 2 meses Plasma EDTA: 2.0mL (1.0 mL) , T. Ambiente 2 días, Refrigerado 5 días, Congelado 2 meses
Utilidad Clínica	Este panel se emplea para tamizaje de antidepresivos tricíclicos.
Días de Procesamiento	Lunes-Viernes
Tiempo de Informe	2 a 4 días
Código CPT	80100
Nota	Tubos separadores de suero no son aceptables; utilice tubos de polipropileno y envíe refrigerado por correo expreso.

5825 Citogenética: Tumores Sólidos (Disponible 01/03/07)

Componente	Método	Vr. de Ref. / Unidades
Tumores Sólidos	Cariotipo	Ver informe
Muestra / Estabilidad	Tejido Tumoral: 1.0mL (0.5) mL, T. Ambiente 72 horas	
Utilidad Clínica	Determinación de anomalías citogenéticas con significado diagnóstico y pronóstico específico para subgrupos de neoplasmas.	
Días de Procesamiento	Domingo-Sábado	
Tiempo de Informe	7 días	
Código CPT	88239, 88262, 88291	

1904 Apolipoproteína A-1 b B (Disponible Inmediatamente)

Componente	Método	Vr. de Ref. / Unidades
Apolipoproteína A-1	Turb	128-276 mg/dL
Apolipoproteína B	Turb	40-130 mg/dL
Apolipoproteína B/A-1 Cociente	Calc	(ver enseguida)

Muestra / Estabilidad Suero: 2.0mL (0.6 mL), T. Ambiente 7 días, Refrigerado 14 días, Congelado 2 meses
 Utilidad Clínica La Apo A-1 conjuga del 60 a 70% del contenido proteínico del HDL. El descenso de nivel en suero de HDL ha sido correlacionado con aumento en el riesgo de enfermedad arterial coronaria (CAD). Sin embargo, se ha sugerido la Apo A-1 como mejor medio para discriminación de CAD que el HDL o la apolipoproteína B. Se ha mostrado en estudios que el cociente apolipoproteína B / apolipoproteína B juega un papel esencial en el transporte y metabolismo de lípidos. Niveles bajos de apolipoproteína A-1, altos de apolipoproteína B y altos de lipoproteína A correlacionan con aumento de riesgo de MI o derrame.

Días de Procesamiento Lunes-Sábado

Tiempo de Informe 1 a 2 días

Código CPT 82172x2

Nota El paciente debe ayunar 12 horas antes de la prueba. No son apropiadas para análisis muestras moderada o intensamente lipémicas, ictericas, o hemolizadas.

Índices Apolipoproteína B/A-1 Rangos de índice de riesgo:

	Hombre	Mujer
Riesgo medio	0.7	0.6
Riesgo medio 2X	0.9	0.9
Riesgo medio 3X	1.0	1.0